

Arborea rend public un catalogue de gènes pour le conifère *Picea glauca*

Le projet Arborea rend public un catalogue de gènes pour le conifère *Picea glauca* (épinette blanche, de la famille des Pinaceae). L'épinette blanche est une espèce d'importance majeure que l'on retrouve sur toute la moitié nordique de l'Amérique du Nord. C'est une des espèces les plus utilisées dans l'industrie forestière canadienne. Ce catalogue de gènes représente une étape majeure vers le séquençage pleine longueur de l'ADNc chez les conifères.

Le catalogue de gènes, développé en collaboration avec Gydle Inc., intègre les données de séquences produites par Arborea (www.arborea.ca) et Treenomix (www.treenomix.ca), deux grands projets Génome Canada. Il est basé sur 272 172 séquences d'ESTs produites à partir de 201 405 clones d'ADNc provenant de 42 banques. Ce catalogue, dont on estime qu'il représente 27 720 gènes, contient les informations suivantes :

- Les séquences des ESTs, aussi disponibles dans la section EST de Genbank;
- Les séquences des clones d'ADNc, déduites des séquences d'ESTs et représentant des séquences transcrites suivant l'orientation positive des ARNm;
- Les clusters sont des groupes de clones représentant le même gène. Chaque cluster possède un clone représentatif.

Chaque cluster génique est représenté par un clone d'ADNc unique

ADNc représentatifs pleinement séquencés (FLICs)	23 589
ADNc représentatifs partiellement séquencés	4 131
Nombre total de clusters géniques	27 720

Séquences codantes complètes et partielles (CDS) dans les clones d'ADNc représentatifs

CDS complets confirmés	4 784
CDS complets prédits	7 689
CDS partiels	13 747

Les fichiers de données rendus publics contiennent l'information suivante :

- Cluster représentatif, clone d'ADNc et séquences d'ESTs (format fasta);
- Les contenus des clones ADNc et des clusters d'ESTs (format CSV)
- Les annotations seront rendues publiques ultérieurement
- Les fichiers "lisez-moi"

Téléchargez les fichiers à <ftp.gydle.com/pub/arborea>

Développements associés : puce à oligonucléotides de 32K gènes

Une puce génomique comprenant un oligonucléotide de 70-mer par gène a été développée conjointement par Arborea et Treenomix. Plus de détails sont à venir bientôt sur le site internet d'Arborea.

Citation et reconnaissance pour l'utilisation de données du catalogue de gènes

S'il vous plait, veuillez reconnaître l'utilisation de ces données ainsi : "Arborea white spruce gene catalogue".

Contacts

Arborea : [Brian Boyle](#), [John MacKay](#)

Gydle : [Philippe Rigault](#)

Institutions participantes

Les institutions suivantes ont participé à cette recherche : Université Laval, Agriculture et agroalimentaire Canada, Service canadien des forêts, Centre de Recherche du CHUL, FPInnovations - Paprican, Gydle Inc., Ministère des ressources naturelles et de la faune du Québec, University of Alberta.

Les institutions suivantes ont contribué au financement d'Arborea : Génome Canada, Génome Québec, Service canadien des forêts, Alberta Forestry Research Institute, Ministère des ressources naturelles et de la faune du Québec, FPInnovations - Paprican, Agriculture et agroalimentaire Canada, Alberta Research Council, University of Alberta.